

[illegible]

<MW: 77738, pI: 8.87, NX(S/T): 7

amino acids 475-504

FIGURE 205

TGCCTGGCCTGCCTTGTCAACAATGCCGCTTACTCTGCTTCCAGGTTGCCCTGCCTTGCAGA
GGAAANCNTCGGGACTACACCNTCAAGTGCACATGAACCTGCTGCTGGCCGTCTTCCTGCTG
GACACGAGCTTCCTGCTCAGCGNAGCCGGTGGCCCTGACAGGCTCTGAAGGCTGGCTGCCGA
GCCAGTGCCATCTTCCTGCACTTCTCCTGCTCACCTGCCTTTCCTGGATGGGCCTCGAGGGG
TACAACCTCTACCGACTCGTGGTGGAGGTCTTTGGCACCTATGTCCCTGGCTACCTACTCAA
GCTGAGCGCCATGGGCTGGGGCTTCCCCATCTTTCTGGTGACGCTGGTGGCCCTGGTGGATG
TGGACAACTATGGCCCCATCATCTTGGCTGTGCATAGGACTCCAGAGGGCGTCATCTACCCT
TCCATGTGCTGGATCCGGGACTCCCTGGTCAGCTACATCACCAACCTGGGCCTCTTCAGCCT
GGTGTTCCTGTTCAACATGG

00705-10404
"5622260

FIGURE 206

CGGACGCGTGGGCGGACGCGTGGGCGGACGCGTGGGCGGACGCGTGGGCTGGTTTCTAGGTCAGGTTTCTGCTTTGA
TCCTTTTCAAAAACCTGGAGACACAGAAGAGGGCTCTAGGAAAAAGTTTGGATGGGATTATGTGGAACTACCCCT
GCGATTCTCTGCTGCCAGAGCAGGCTCGGCGCTTCCACCCCACTGCAGCCTTCCCCTGGCGGTGGTGAAAGAGAC
TCGGGAGTCGCTGCTTCCAAAGTGCCCGCGGTGAGTGAGCTCTCACCCCACTGCAGCCAAATGAGCCTCTTCGGGC
TTCTCCTGCTGACATCTGCCCTGGCCGGCCAGAGACAGGGGACTCAGGCGGAATCCAACCTGAGTAGTAAATTCC
AGTTTTTCCAGCAACAAGGAACAGAACGAGTACAAGATCTCAGCATGAGAGAATTATTACTGTGTCTACTAATG
GAAGTATTCACAGCCCAAGGTTTCCCTCATACTTATCCAAGAAATACGGTCTTGGTATGGAGATTAGTAGCAGTAG
AGGAAAATGTATGGATACAACCTTACGTTTGTATGAAAGATTGGGCTTGAAGACCCAGAAGATGACATATGCAAGT
ATGATTTTGTAGAAGTTGAGGAACCCAGTGATGGAATATATAGGGCGCTGGTGTGGTTCTGGTACTGTACCAG
GAAAACAGATTTCTAAAGGAAATCAAATTAGGATAAGATTGTATCTGATGAATATTTTCTTCTGAACCAGGGT
TCTGCATCCACTACAACATTGTCTGCCACAATTCACAGAAGCTGTGAGTCTTCTAGTGCTACCCCTTCTAGCTT
TGCCACTGGACCTGCTTAATAATGCTATAACTGCCTTATGACCTTGAAGACCTTATTCGATATCTTGAACCAG
AGAGATGGCAGTTGGACTTAGAAGATCTATATAGGCCAATCTGGCAACTTCTTGGCAAGGCTTTTGTGTTTTGGAA
GAAAATCCAGAGTGGTGGATCTGAACCTTCTAACAGAGGAGGTAAGATTATACAGCTGCACACCTCGTAACCTTCT
CAGTGTCCATAAGGAAGAATAAGAGAACCGATACCATTTTCTGGCCAGGTGTCTCTGCTGTTAAACGCTGTG
GTGGGAACGTGCTGCTGTTGTCTCCACAATTGCAATGAATGTCAATGTGTCCCAAGCAAAGTTACTAAAAAATACC
ACGAGGTCTTCTAGTTGAGACCAAGACCGGTGTGAGGGGATTGCACAAATCACTACCGACGTGGCCCTGGAGC
ACCATGAGGAGTGTGACTGTGTGTGCAGAGGGAGCACAGGAGGATAGCCGCATCACCACCAGCAGCTCTTGCCCA
GAGCTGTGTCAGTGCAGTGGCTGATTCTATTAGAGAACGTATGCGTTATCTCCATCCTTAATCTCAGTTGTTTGTCT
TCAAGGACCTTTCATCTTCTAGGATTTACAGTGCATTCTGAAAAGAGGAGACATCAAACAGAATTAGGAGTTGTGCA
ACAGCTCTTTTGGAGGAGGCCATAAGGACAGGAGAAAAGGTCTTCAATCGTGGAAAGAAAATTAAATGTTGTAT
TAAATAGATCACCAGCTAGTTTCTAGAGTTACCATGTACGTATTCCACTAGCTGGGTTCTGTATTTCTAGTTCTTTT
GATACGGCTTAGGGTAATGTGAGTACAGGAAAAAACTGTGCAAGTGAGCACCTGATTCCGTTGCTTGTCTTAAC
TCTAAAGCTCCATGTCTGCGCCCTAAAATCGTATAAAATCTGGATTTTTTTTTTTTTTTTTGCTCATATTACAT
ATGTAAACCAGAACATTCTATGTACTACAAACCTGGTTTTTAAAAAGGAACCTATGTTGCTATGAATTAAACTTGT
GTCATGCTGATAGGACAGACTGGATTTTTCATATTTCTTATTAATAATTTCTGCCATTTAGAAGAAGAGAACTACA
TTCATGGTTTGAAGAGATAAACCTGAAAAGAAGAGTGGCCTTATCTTCACTTTATCGATAAGTCAGTTTATTTG
TTTCATTGTGTACATTTTTATATTCTCCTTTTGACATTATAACTGTTGGCTTTTCTAATCTTGTAAATATATCT
ATTTTTACCAAAGGTATTTAATATTCTTTTTTATGACAACCTAGATCAACTATTTTTAGCTTGGTAAATTTTTCT
AAACACAATTGTTATAGCCAGAGGAACAAAGATGATATAAAATATGTTGCTCTGACAAAAATACATGTATTTCA
TTCTCGTATGGTGCTAGAGTTAGATTAACTGTCATTTTAAAAAACTGAATTGGAATAGAATTGGTAAGTTGCAAA
GACTTTTTGAAAATAATTAAATTATCATATCTTCCATTCTGTATTGGAGATGAAAATAAAAAGCAACTTATGA
AAGTAGACATTGAGATCCAGCCATTACTAACCTATTCCTTTTTTGGGGAAATCTGAGCCTAGCTCAGAAAAACAT
AAAGCACCTTGAAAAGACTTGGCAGCTTCTGATAAAGCGTGCTGTGCTGTGCAGTAGGAACACATCCTATTTA
TTGTGATGTTGTGGTTTTTATTATCTTAACTCTGTTCCATACACTTGTATAAATACATGGATATTTTTATGTACA
GAAGTATGTCTCTTAACAGTTCACTTATTGTACTCTGGCAATTTAAAAGAAAATCAGTAAAATATTTTGCTTGT
AAAATGCTTAATATNGTGCCTAGGTTATGTGGTACTATTTGAATCAAAAATGTATTGAATCATCAATAAAGA
ATGTGGCTATTTTGGGGAGAAAATTAAAAAAGGTTTAGGGATAACAGGGTAATGCGGCC

FIGURE 206